

Initiation au traitement des données de génomique obtenues par séquençage à haut débit

Ecole de bioinformatique Aviesan - IFB - Inserm (EBAll)

Inscription ouverte pour le niveau intermédiaire du 5 au 9 juin 2023

L'EBAll propose plusieurs formations en français, basées sur une alternance de courtes sessions théoriques et d'ateliers pratiques.

Les participants bénéficieront d'un tutorat personnalisé pour élaborer leur plan d'analyse, et effectuer les premières étapes de traitement de leurs propres données ou de celles de leur équipe.

Public visé Biologistes (ingénieurs, doctorants, chercheurs, enseignants-chercheurs, praticiens...) confrontés à l'analyse de données NGS, ne disposant pas de compétences bioinformatiques suffisantes, ou cherchant à les consolider.

Frais d'inscription 1000€ HT pour les académiques et EPIC; 2500€ HT pour les industriels. L'hébergement et la restauration sont inclus. Les frais de transport demeurent à la charge des participants.

Niveau intermédiaire

Objectifs L'école s'articulera autour de trois ateliers thématiques en session parallèle (RNA-seq, ChIP-seq, variants DNA-seq), et abordera la visualisation et l'intégration des données.

Environnement de travail L'ensemble de la formation reposera sur l'utilisation de commandes en ligne (terminal Linux) et du langage R.

Prérequis Les candidats doivent avoir acquis les compétences enseignées durant l'école de niveau débutant: un niveau de base en ligne de commande, R, et (au choix) RNA-seq, ChIP-seq ou variants DNA-seq.

Prochaines dates 5 au 9 juin 2023.

Inscription niveau

intermédiaire : <https://sondages.inrae.fr/index.php/327339?lang=fr>

Informations sur les formations de EBAll : <https://ifb-elixirfr.github.io/EBAll/>